

НАПРАВЛЕНИЕ (ЮЛ) на генетическое исследование в лабораторию Genetico

Дата направления «_____» _____ 20____ г. Дата забора биоматериала «_____» _____ 20____ г.
 Тип биоматериала _____ Количество _____
 Организация, город _____
 ФИО пациента: _____
 Дата рожд. пациента г.
 ФИО врача _____

Тип исследования (выберите нужное):

Материал:	Наиболее частые наследственные заболевания и состояния РФ, и другие услуги:	Код услуги:
Кровь (венозная) с ЭДТА	Спинальная амиотрофия типы I, II, III, IV: поиск делеций в гене SMN1 (1 чел.). Заполните приложение 1	☐ 1195-1.2
	Синдром ломкой X-хромосомы. Исследование количества CGG-повторов в гене FMR1 . Заполните приложение 1	☐ 9007-3
	Подтверждающее секвенирование по Сэнгеру (1 мутация до 4-х человек, члены одной семьи). Необходимо указать мутацию/мутации. Заполните приложение 1	☐ 7005
	Genetico. Муковисцидоз. Исследование наиболее частой мутации delF508 в гене CFTR . Заполните приложение 1	☐ 7003
	Подготовка к беременности - комплексная панель (+гемофилия, FMR1) Анализ мутаций, связанных с развитием 28 наследственных заболеваний (в т.ч. муковисцидоз, гемофилия, ломкая X хромосома (только жен.) и др.). Заполните приложение 1	☐ 3011b
	Подготовка к беременности - комплексная панель Семья Анализ мутаций, связанных с развитием 28 наследственных заболеваний (в т.ч. муковисцидоз, гемофилия, ломкая X хромосома (только жен.) и др.) 2 чел. Заполните приложение 1	☐ 3010b
	Подготовка к беременности – расширенная панель. Анализ мутаций, которые могут стать причиной тяжелых и/или несовместимых с жизнью заболеваний плода (1 чел.). Заполните приложение 1	☐ 3008b
	Подготовка к беременности – расширенная панель Семья. Анализ мутаций, которые могут стать причиной тяжелых и/или несовместимых с жизнью заболеваний плода 2 чел. + Исследование количества CGG-повторов в гене FMR1 (только жен.). Заполните приложение 1	☐ 3009b
	Подготовка к беременности – оптимальная панель (Муковисцидоз, СМА, нейросенсорная тугоухость 1 A типа; 4 мутации). Заполните приложение 1	☐ DP-3010
	Синдром Жильбера: исследование промоторной области гена UGT1A1 (1 чел.). Заполните приложение 1	☐ 1231-1
	Анализ полиморфизмов в гене FSHR (Ala307Thr, Asn680Ser). Заполните приложение 1	☐ DP-3012
	Мышечная дистрофия поясничноконечностная: поиск крупных делеций в гене DYSF . Заполните приложение 1	☐ 3888
	Гемофилия А: исследование инверсий интрона 22 и интрона 1 в гене F8 . Заполните приложение 1	☐ MD-4443
	Поликистозная болезнь почек: поиск крупных делеций в гене PKD1 методом MLPA. Заполните приложение 1	☐ 3889
	Семейные случаи рака молочной железы/яичников: поиск частой мутации c.5382insC в гене BRCA1 . Приложение 1	☐ 7001
	Резус фактор, определение генотипа и статуса носительств. Заполните приложение 1	☐ PD-013
	Выделение ДНК. Заполните приложение 1	☐ 7004
	Экзом 35 - Полноэкзомное секвенирование ДНК человека для поиска предположительно наследственного заболевания с интерпретацией данных (необходима клиническая информация). Заполните приложение 5	☐ NGS-E21
	Экзом 35 - Полноэкзомное секвенирование ДНК человека для скрининга на носительство рецессивных заболеваний с интерпретацией данных. Заполните приложение 5	☐ NGS-E22
	Экзом 50 - Полноэкзомное секвенирование ДНК человека для поиска предположительно наследственного заболевания с интерпретацией данных (необходима клиническая информация). Заполните приложение 5	☐ NGS-E250
	Экзом 50 - Полноэкзомное секвенирование ДНК человека для скрининга на носительство рецессивных заболеваний с интерпретацией данных. Заполните приложение 5	☐ NGS-E250-2
	Экзом 90 - Полноэкзомное секвенирование ДНК человека для поиска предположительно наследственного заболевания с интерпретацией данных (необходима клиническая информация). Заполните приложение 5	☐ NGS-E290
	Экзом 90 - Полноэкзомное секвенирование ДНК человека для скрининга на носительство рецессивных заболеваний с интерпретацией данных. Заполните приложение 5	☐ NGS-E290-2

НАПРАВЛЕНИЕ (ЮЛ) на генетическое исследование в лабораторию Genetico

Дата направления «_____» _____ 20____ г. Дата забора биоматериала «_____»._____.20____ г.
 Тип биоматериала _____ Количество _____
 Организация, город _____
 ФИО пациента: _____
 Дата рожд. пациента _____ г.
 ФИО врача _____

Тип исследования (выберите нужное):

Материал:	Наиболее частые наследственные заболевания и состояния РФ и др.услуги:	Код услуги:
	Полноэкзомное секвенирование "ТРИО" - с интерпретацией данных полученных по результатам секвенирования, для поиска предположительно наследственного заболевания. (Цена указана за 3 образца). Заполните приложение 4.	☐ NGS-105-S
	Клиническая Эпи-Панель 35 , без выдачи сырых данных. Заполните приложение 5	☐ NGS-EPI35
	Клиническая Эпи-Панель 90 , без выдачи сырых данных. Заполните приложение 5	☐ NGS-EPI90
	Клиническая панель «Аутизм» 35 , без выдачи сырых данных. Дополнительное исследование количества CGG-повторов в гене FMR1. Заполните приложение 5	☐ NGSL-AUT35
	Клиническая панель «Аутизм» 90 , без выдачи сырых данных. Дополнительное исследование количества CGG-повторов в гене FMR1. Заполните приложение 5	☐ NGSL-AUT90
	Клиническая Нефро-панель 35 , без выдачи сырых данных. Заполните приложение 5	☐ NGS-KID35
	Клиническая Нефро-панель 90 , без выдачи сырых данных. Заполните приложение 5	☐ NGS-KID90
	Клиническая Иммуно-панель 35 , без выдачи сырых данных. Заполните приложение 5	☐ NGS- IMM35
	Клиническая Иммуно-панель 90 , без выдачи сырых данных. Заполните приложение 5	☐ NGS- IMM90
	Геном-45 - Полногеномное секвенирование ДНК человека с интерпретацией данных срочное (необходима клиническая информация). Заполните приложение 6	☐ NGS-G21
	Геном-90 - Полногеномное секвенирование ДНК человека с интерпретацией данных, для клинических целей (необходима клиническая информация). Заполните приложение 6	☐ NGSL-G21
	Геном-45-ТРИО - Полногеномное секвенирование ДНК человека с интерпретацией данных, для клинических целей (необходима клиническая информация). Заполните приложение 6	☐ NGS-G45T
	Прекоцепционная NGS-панель. Исследование количества CGG-повторов в гене FMR1(только жен). Заполните приложение 7	☐ NGS-4000b
	Подготовка к беременности Экзом плюс. Наиболее полный скрининг на наследственные наследственные заболевания на основе данных полноэкзомного секвенирования, плюс СМА, ломкая X хромосома (только жен.), вариант в гене CFTR dele2,3. Заполните приложение 5	☐ NGS-3000b
	Подготовка к беременности Экзом плюс – дуэт. Наиболее полный скрининг на наследственные заболевания на основе данных полноэкзомного секвенирования, плюс СМА, ломкая X хромосома (только жен.), вариант в гене CFTR dele2,3. Заполните приложение 5	☐ NGSP-3000b
Параф. блок	Выделение ДНК из парафиновых блоков (1 образец). Заполните приложение 1	☐ 7006
CPDA*	Неинвазивное определение резус-фактора плода по крови матери. Заполните приложение 1	☐ PN-778a
ЭДТА/буккальн. соскоб/ДНК	Тест на определение отцовства. Заполните ИС приложение 3	☐ MG-201.1

*При этом типе пробирок - транспортировка при температуре от +2°С до +8°С в течение 2 суток.

Комментарии: _____

Врач(_____/_____)

Подпись

ФИО

НАПРАВЛЕНИЕ (ЮЛ)
на Хромосомный Микроматричный Анализ (ХМА) в лабораторию Genetico

Дата направления «_____» _____ 20____ г. Дата забора биоматериала «_____»._____. 20____ г.

Тип биоматериала _____ Количество _____

Организация, город _____

ФИО пациента: _____

Дата рождения пациента _____ . _____. ____ г.

ФИО врача _____

Тип исследования (выберите нужное):

Исследуемый материал:	Хромосомный микроматричный анализ (ХМА): Доставка до лаборатории Genetico входит в стоимость услуги	Код услуги:	
Кровь (венозная) ЭДТА	Хромосомный микроматричный анализ (молекулярно-генетический анализ aCGH) <u>постнатальный</u> (пациенты разных возрастов). Необходима клиническая информация. Заполните ИС приложение 1	☐	9006
Ворсины хориона или амниотическая жидкость не менее 5 мл (стерил. контейнер)	Хромосомный микроматричный анализ <u>пренатальный</u> . Необходима клиническая информация. Заполните ИС Приложение 1	☐	9008
Ворсины хориона (плацента) или иной плодный материал (ткани паренхиматозных органов или пуповины плода) (10-20мг, стерильный контейнер, р-р 0,9% NaCl) + кровь (вен.) ЭДТА матери	Хромосомный микроматричный анализ (молекулярно-генетический анализ aCGH) <u>при неразвивающейся беременности</u> (абортивный материал). Срок беременности _____ недель Необходима клиническая информация. Заполните ИС приложение 2 <i>Также необходимо предоставить образец крови пациентки для исключения контаминации образца материнским биоматериалом.</i>	☐	9004

Комментарии врача:

Врач(_____ / _____)

Подпись

ФИО